

Simposio Internacional de Metabarcoding de ADN
31 de Octubre de 2019
Sala del Consejo, Universidad de los Andes

Evento gratuito con previa inscripción aquí (<https://forms.gle/rcGJ2GxURTbhiDFm9>)

El metabarcoding es una metodología que busca evaluar la biodiversidad a partir de muestras ambientales, usando técnicas moleculares y secuenciación de alto rendimiento. Durante el **Simposio Internacional de Metabarcoding de ADN**, nueve expertos internacionales en el tema mostrarán como han usado el metabarcoding en sus investigaciones que comprenden temas como inventarios de biodiversidad en sitios de alta riqueza, identificación de dietas en animales, reconstrucción comunidades históricas, entre otras, además de abordar diferentes aspectos y desafíos técnicos.

Agenda del Evento

9:00 - 9:40 / Pierre Taberlet, LECA, CNRS, Francia
Introduction to environmental DNA

9:40 - 10:20 / Mailyn González, Instituto de Investigación de Recursos Biológicos Alexander von Humboldt, Colombia
Studying the biodiversity of Colombia through metabarcoding

10:20 Pausa

10:50 - 11:30 / Lucie Zinger, IBENS, ENS, Francia
Sequencing soil from a 12ha plot of tropical forest: what can be learnt?

11:30 - 12:10 / Inger Alsos, Tromsø University, Noruega
Using ancient sedimentary DNA to explore long-term effect of climate change on vegetation.

14:00 - 14:40 / Anthony Chariton, Macquarie University, Australia
Is a lack of sufficiently stringent quality assurance/quality controls protocols is impacting metabarcoding research?

14:40 - 15:20 / Aurélie Bonin, Milano University, Italia
Gut microbiote and diet: lessons from twelve herbivores species

15:20 - 16:00 / Tristan Cordier, UNIGE, Suiza
Taxonomy-free approaches for environmental monitoring, from OTU-based indices to full communities profiles

16:00 Pausa

16:30 - 17:10 / Eric Coissac, LECA, UGA, Francia
Genome skimming for building reference librairies: the PhyloAlps and PhyloNorway projects

17:10 - 17:50 / Wilfried Haerty, Earlham Institute, Reino Unido

Más información en metabarcoding.org